

Time of export: 20.04.2024. 07:18:58

Repository: zir.nsk.hr

Number of records on this URL: 35

Records exported: 35

| Title                                                                                                                 | URL | Authors           | Host item title |
|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-----|-------------------|-----------------|
| Metode procjene genomskog inbridinga                                                                                  |     | Čavlović, Filip   |                 |
| Optimizacija modularnog sustava ekspresijskih vektora za primjenu CRISPR/Cas9 tehnologije u kulturi animalnih stanica |     | Bračun, Bruno     |                 |
| Identifikacija signala pozitivne selekcije u genomu pastirskih pasa                                                   |     | Glavaš, Vjeran    |                 |
| Identifikacija signala pozitivne selekcije u genomu hrvatskih ovaca                                                   |     | Shihabi, Mario    |                 |
| Darwinova teorija evolucije i selekcija kod životinja                                                                 |     | Stergar, Dora     |                 |
| Procjena DNA ROH segmenata iz simuliranih podataka putem HMM i klasičnih programskih paketa                           |     | Strelar, Kristina |                 |
| Procjena i usporedba raznolikosti različitih populacija kokoši putem genomske informacije                             |     | Jurić, Tea        |                 |
| Usporedba metoda procjene inbreedinga iz DNA ROH segmenata kod kokoši                                                 |     | Bošković, Boško   |                 |
| Usporedba modela laktacijskih krivulja u ovaca                                                                        |     | Barković, Sara    |                 |
| Analiza varijabilnosti cijelog mitogenoma koze                                                                        |     | Radović, Lara     |                 |
| Procjena DNA ROH segmenta pomoću metode skrivenog Markovljevog modela                                                 |     | Katić, Iva        |                 |
| Procjena efektivne veličine populacije iz vezanih i nevezanih gena                                                    |     | Došen, Valentina  |                 |
| Procjena genetske korelacije između binarne i normalne varijable koristeći GLIMMIX SAS proceduru                      |     | Ćosić, Mateja     |                 |
| Provjera procjene efektivne veličine populacije putem simuliranih genomskih podataka                                  |     | Soro, Filip       |                 |
| Provjera točnosti određivanja faze haplotipa putem simuliranih genomskih podataka                                     |     | Glunčić, Tea      |                 |
| Utjecaj štetnih mutacija u uzgoju mliječnih goveda s osvrtom na APAF1 gen                                             |     | Popijač, Vedrana  |                 |
| Primjena makro naredbi i varijabli u stočarstvu koristeći SAS program                                                 |     | Lovrić, Mateja    |                 |
| Usporedba grafičkih procedura u prikazu podataka u stočarstvu koristeći SAS program                                   |     | Papišta, Sven     |                 |
| Segmenti mitohondrijske DNA u genomu stanične jezgre goveda                                                           |     | Andjel, Lucija    |                 |

|                                                                                                         |  |                      |  |
|---------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|----------------------|--|
| Nasljedne bolesti uzrokovane mutacijama u mitogenomu goveda                                             |  | Begić, Zdravko       |  |
| Forenzička analiza pasminske pripadnosti na temelju sekvence mitogenoma pasa                            |  | Cerovec, Kristina    |  |
| Vizualizacija "Runs of Homozygosity" DNA segmenata                                                      |  | Hrženjak, Marko      |  |
| Značaj gena glavnog sustava tkivne podudarnosti preživača                                               |  | Zelko, Krunoslav     |  |
| Povijest, sadašnjost i izazovi procjene aditivne varijance                                              |  | Jašinski, Martina    |  |
| Uloga PRDM9 gena u procesu rekombinacije DNA                                                            |  | Matijević, Magdalena |  |
| Usporedba bioloških svojstava triju uzgojnih linija sive pčele ( <i>Apis mellifera carnica</i> P. 1879) |  | Nikšić, Maja         |  |
| Detekcija visoko heterozigotnih regija u genomu goveda                                                  |  | Mercvajler, Mario    |  |
| Geografska raznolikost mitohondrijske DNA smeđeg medvjeda ( <i>Ursus arctos</i> )                       |  | Janeš, Jakob         |  |
| Varijabilnost mitohondrijske DNA goveda                                                                 |  | Duvnjak, Ivana       |  |
| Genomska procjena inbridinga na temelju markera spolnih kromosoma                                       |  | Šantek, Martina      |  |
| Procjena genetskih parametara binomne varijable koristeći GLIMMIX SAS proceduru                         |  | Matanović, Sara      |  |
| Utjecaj veličine uzorka na procjenu "linkage disequilibrium" efektivne veličine u populacijama goveda   |  | Karapandža, Nina     |  |
| Genomska analiza nasljeđivanja displazije kukova čistokrvnih pasmina pasa                               |  | Andjel, Lucija       |  |
| Genetička varijabilnost divljeg kunića ( <i>O.cuniculus</i> ) u Republici Hrvatskoj                     |  | Kaštelanac, Ivan     |  |
| Genetička varijabilnost zeca ( <i>L. europeus</i> ) u Republici Hrvatskoj                               |  | Beljan, Silvestar    |  |